

EpMotion® 96 et 96XL

- Pipeteur semi-automatisé pour tout type de plaques 96 et 384 puits
- Reconnaissance automatique des pointes EpTIPS Motion disponibles avec ou sans filtre
- Encombrement minimal
- Logiciel de programmation et de commandes téléchargeables
- 10 méthodes prédéfinies et paramétrables

- **Modèle standard** : 0,5 µl à 300 µl disponible en 1 ou 2 positions
- **Modèle XL** : 5 µl à 1000 µl disponible en 1 ou 2 positions

ependorf



	96		96XL	
Nombre de positions	1	2	1	2
Référence	999506	933947	933948	933949
€ HT	NC -	NC -	NC -	NC -

Pointes epTIPS Motion

Référence	Volume (µl)	Stérile	Filtre	PCR clean	Unités/carton	€ HT/carton
999513	1 - 50	Non	Oui	Oui	24 x 96	NC -
999516	20 - 300	Non	Oui	Oui	24 x 96	NC -
999514	20 - 300	Non	Non	Non	24 x 96	NC -
933223	40 - 1000	Non	Oui	Oui	24 x 96	NC -
933222	40 - 1000	Non	Non	Non	24 x 96	NC -

Accessoires

Référence	Désignation	€ HT
933951	Réservoir 195 ml à faible volume mort PCR Clean	NC -
933952	Kit de mise à niveau du curseur à 2 positions pour EpMotion 96	NC -

Embouts de pipette ZipTip

Pour la concentration et la purification d'échantillons biologiques
L'unité ZipTip est un embout de pipette de 10 µl avec un lit de média chromatographique de 0,6 µl environ fixé, à son extrémité. Il est idéal pour concentrer, dessaler et fractionner les échantillons de protéines, de peptides et d'oligonucléotides avant spectrométrie de masse, HPLC, électrophorèse capillaire et autres techniques d'analyse.

Plusieurs résines sont disponibles en fonction de votre application :

- C18/µ-C18 :
 - dessalage et concentration de peptides, protéines ou oligonucléotides
 - fractionnement de mélanges complexes de protéines ou peptides
- C4 : dessalage et concentration de protéines.
- SCX - échange cation :
 - purification des peptides
 - élimination des détergents

La boîte de	8	96	960
C18	051168	051177	051182
µ-C18	051169	051178	051275
C4	051170	051465	051183
€ HT/boîte	NC -	NC -	NC -
SCX	051468	051368	-
€ HT/boîte	NC -	NC -	-

